

小数を分数で近似する

bunsu

有理数は分数で表わすことができますが、無理数($\sqrt{2}$ など)や超越数(π や e など)は分数で表わせず無限小数となります。

そこで、このような小数を分数で近似することを考えました。

アルゴリズム

小数を分数で表わすというのは、たとえば、 $\pi = 3.141592653589\cdots$ を、

$3+16/113=3.1415929\dots$ (誤差1/200万)

などのように近似することをいいます。

では、もとの小数との誤差が最小となる分数を発見する方法について考えてみます。

このアルゴリズムの厳密な数学的証明はできませんが、おおまかな考え方を説明します。

考え方のポイントとしては、 もとの小数（以後真値 T）と近似分数 B/A との誤差。

まず、最初の近似分数を真値より小さくなるように設定($T > R/4$)します。このとき

$$\Delta = T - B/A > 0$$

次に、近似分数の分子を固定して分母から-1すると、近

似分数は大きくなり真値との誤差 Δ は小さくなります。
そして分母をどんどん小さくしていくれば、誤差 Δ もどんどん

このときの分數の値はこの寸前の分數の値が “ $A=$

0°に最も近く、誤差が最小となるので、これを現時点での
かたさを測る：

アスコロ

誤差最小分數として記録しておきます。

次に、これ以上分母から “-1” しても Δ は増える一方なので、分子から “-1” して近似分数の値を小さくして再び “ $\Delta > 0$ ” にします。

そして、この操作を繰り返していくば、最後にもっとも多くの小さな近似分数が記録されていることになります。

最小誤差探索法

以上の方針を「最小誤差探索法」と呼ぶことにします。この方法を具体例でもっと詳しく説明します。例として π を取り扱うことにします。

まず、分数の分母を何桁にするか決めます。ここでは、3桁としてπの小数点以下4桁以降を切り捨てて、 $0.1415926\cdots$ を0.141（整数部分は簡単にするために省略します）とします。

よって出発分数は $141/1000$ となり、これが最小分数となります。そして、真値に最も近い分数は $141/1000 \sim 15/100$ の間にあります。

さて、出発分数の分母から "-1" して分数の値を大きくします。そして、これが真値より大きくなるまで "-1" します。

このときのひとつ前の分数またはこのときの分数で、真値との差が現時点での最小になるので、これを記録しておき

寒行四面

ます。

この例では、 $141/1000$ から出発して $141/999, 141/998\cdots$ となり、 $141/995$ が真値より大きくなる分数です。この場合は、ひとつ前の $141/996$ が真値との誤差が最小の分数です。

次に、現在の分数の分子から-1して分数の値を真値より小さくします。ここでは、 $140/996$ となります。

そして、これをまた出発分数としてこれらの操作を繰り返し、 $15/100$ にならざる終了します。そうすると、誤差が最小の分数が記録されていることになります。

この例では、 $16/113$ です。

最小誤差計算法(改良案)

もっと探索の数を減らす方法を考えました。

前述の方法により、真値 T との誤差が最もなるひとつの分数(初期分数)を求めます。これを " B/A " とします。

ここで、真値との誤差は、

$$\Delta(0,0) = T - B/A > 0$$

となります。

次に、 B/A の分子から " $-m$ " して、分母から " $-n$ " した " $(B-m)/(A-n)$ " について、

$$\Delta(m,n) = T - (B-m)/(A-n) > 0$$

とすると、

$$\Delta(m,n) - \Delta(0,0) = T - (B-m)/(A-n) - T + B/A = (mA-nB)/A(A-n)$$

です。

ここで、 $\Delta(m,n)$ が初期誤差 $\Delta(0,0)$ より小さくなるには、

$$\begin{aligned} \Delta(m,n) &< \Delta(0,0) \\ \Delta(m,n) - \Delta(0,0) &< 0 \end{aligned}$$

だから、

$$(mA-nB)/A(A-n) < 0$$

となります。

m を $1, 2, 3\cdots$ と変化させて、条件式 " $mA < nB$ " に合う n を求めます。そして、このときの " $(B-m)/(A-n)$ " を計算して記録しておきます。

この例では、初期分数は $141/996$ で、 $m=1, 2, 3, 4\cdots$ に対応して $n=8, 15, 22, 29\cdots$ となります。

さらに計算を続けてゆき、 $"15/100"$ にならざる終了します。そうすると、誤差が最小の分数が記録されていることになります。この例では、前述の方法と同じ " $16/113$ " です。この方法を最小誤差計算法と呼ぶことにします。

もっと改良を考えてみました。

I/O ブラザ

San, 1181

130

ト始めまして。EJと申す者でございます。I/O編集にはまだまだ初心者の方が多いと思います。私の所有機種はXT-turboZIIとPC-1261、PC-E200です。ところで、昨日号P21の、かいちゃん。私のマシンでは2HDを2Dフォーマットできますよ。(先もできただ)買ったディスクはクジのMD2HSUPER-HR(片のゴードンハーリングがついているやつです)で、現在3枚ほど2Dフォーマットしております。

真値との誤差 $\Delta(m,n)$ を、 m を x 軸に $\Delta(m,n)$ を y 軸にとってグラフにしてみると、図のように単調に増加していく突然小さくなりまた単調増加を繰り返しているように見えます(数学的な証明はできませんが)。

そして、 $\Delta(m,n)=0$ の線を横切っているので、 $\Delta(m,n)$ の値が一から十に転じたときの前後の値を調べて、より誤差の小さい方を現時点での最小誤差分数とすればよいことが分かります。

プログラムについて

bunau.c は最小誤差探索法のプログラムで、bunsu2.c は最小誤差計算法のプログラムです。bunsu3.c は最小誤差計算法の改良版です。

なお、このプログラムは "TurboC 2.0" で開発しました。

整数は long int を用い、実数は double を使ったので、分数の分母の桁数は 9 桁まで計算できます。小数点以下の精度は 16 桁までは信用できます。

π についていろいろな桁数で近似分数を求めた結果を表に示しました。一般に分母の桁数を多くするほど、真値との誤差は小さくなると思われますが、分母が 4 桁のときは 3 桁のときとまったく同じになってしまいました。

また、最小誤差計算法の方が最小誤差探索法よりも 2 ~ 3 倍程度速度が速くなりましたか、思ったほどの改善ではありませんでした。最小誤差計算法改良版は計算法とあまり変わらない速度だったので、プログラムは単純な方が良いということでしょうか。

*

「女房酔わせてどうするの」じゃありませんか。小数を分数に近似してもどうということはありません。しかし、 π の近似分数「 $16/113$ 」は有者ですので役に立つかかもしれません。

そのほか、 e などについて自分で試してみてください。

表 1 π の近似値

分母	分子	小数
1	1/7	3.1 128571428571428
2	14/99	3.141 41414141414
3	16/113	3.141592 9208539823
4	144/1017	"
5	14093/99532	3.141592653 6189366
6	140914/995207	3.14159265358 86504

図1

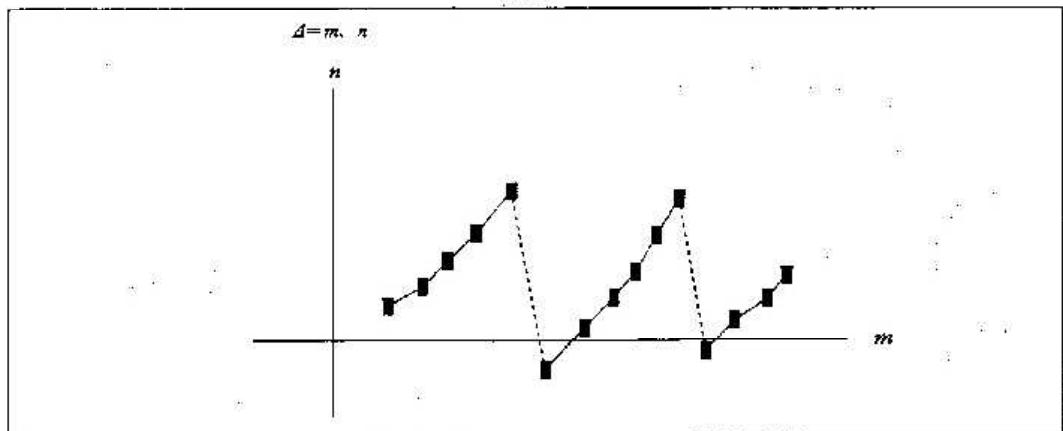
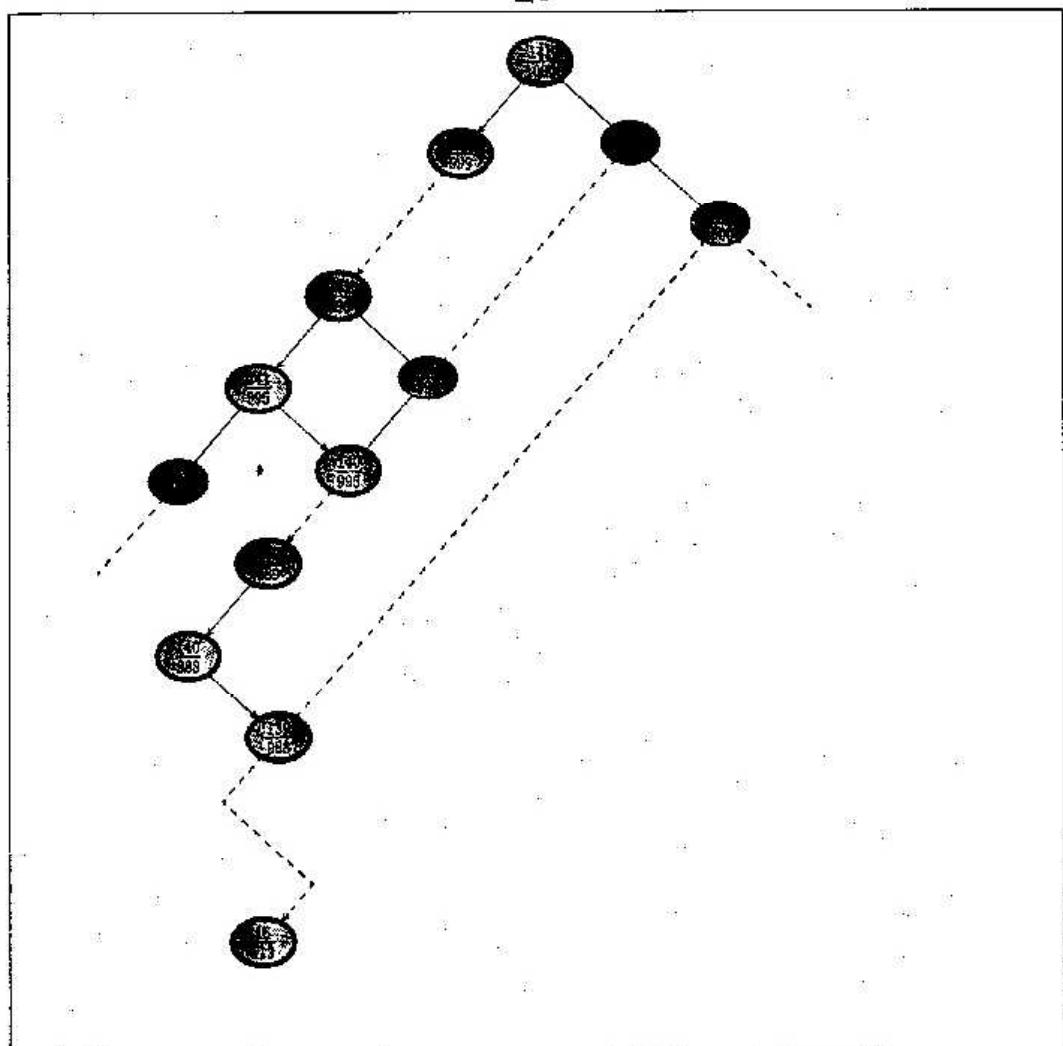


図2



P.S.私のまわりはみんな98ユーザーだよー。でもただ1人データ20もってる人がいるからまだいいけど。

(E.O)

131

```

bunsu.c
/* bunsu.c 完成版 ver1.2 (1991.3.1) Turbo C ver2.0 Small Model by S. Furuta
   小数を分数で近似する
   最小公倍数法 */

#include <stdio.h>
#include <math.h>
#include <time.h>

double value;
min()
{
    int kazu;
    double xl, yl, val;
    long int va, vb;
    time_t start, finish;
    double times;
    printf("%lf\n", xl); // valueに小数
    scanf("%lf", &value);
    printf("分母の約数");
    scanf("%d", &kazu);
    modf(value, &xl, &val); // xlに分子
    val=modf(val, &val); // valに分母
    va=(long) xl;
    vb=(long) val;
    va_min(va);
    vb_min(vb);
    printf("出発分数 %ld / %ld\n", xl, val);
    time(&start);
    Dompach(va, vb);
    time(&finish);
    times=diffsec(&start, &finish);
    printf("経過時間(sec)= %.17f\n", times);

    /* 下記しては違うが
    Dompach(va, vb);
    int kazu;
    long int xl, yl;
    long int va, vb;
    double xl, yl, dita, dl;
    double va_min, vb_min, dita_min;
    */
}

void ipos(int kazu)
{
    /* 分母の下限 */
    va=(long) min();
    vb=(long) min();
    va_min(va);
    vb_min(vb);
    dita_min(dita);
}

while ((dita>0)&&(dita<=kazu)) {
    --xl;
    xl+=double(xl);
    val+=double(val);
    dita=va-(xl/vb);
    dita_min(dita);
}

if (value-(xl/vb)>0) {
    if (dita>0) dita-=dita;
    if (dita>0) {
        xl+=dita;
        va_min(va);
        vb_min(vb);
        dita_min(dita);
    }
}
else {
    if (dita>dita_min) {
        xl+=dita;
        va_min(va);
        vb_min(vb);
        dita_min(dita);
    }
}

--vb;
yl=(double) yl;
val=(double) val;
dita=va-(xl/vb);

if (dita>0) {
    xl+=dita;
    va_min(va);
    vb_min(vb);
    dita_min(dita);
}

printf("出発分数 %ld / %ld\n", xl, val);
printf("D-Sid / A-Sid %.17f %.17f\n", xl, val);
}

bunsu2.c
/* bunsu2.c 完成版 ver1.3 (1991.3.3) Turbo C ver2.0 Small Model by S. Furuta
   小数を分数で近似する
   最小公倍数法 */

#include <stdio.h>
#include <math.h>
#include <time.h>

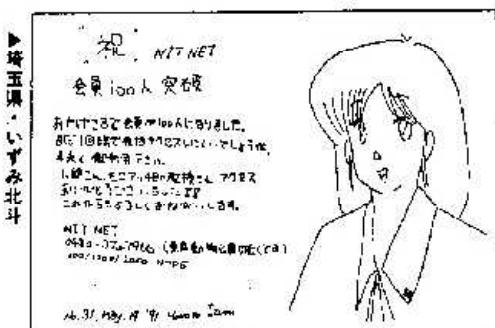
double value;
double va_min, vb_min, dita_min;
min()
{
    int kazu;
    double xl, yl, val;
    long int va, vb;
    time_t start, finish;
    double times;
    printf("小数");
    scanf("%lf", &value);
    printf("分母の約数");
    scanf("%d", &kazu);
    modf(value, &xl, &val); // xlに分子
    val=modf(val, &val); // valに分母
    va=(long) xl;
    vb=(long) val;
    va_min(va);
    vb_min(vb);
    printf("出発分数");
    printf("%ld / %ld\n", xl, val);
    time(&start);
    initPath(va, vb);
    time(&finish);
    times=diffsec(&start, &finish);
    printf("経過時間(sec)= %.17f\n", times);

    /* 初期分母を通常する */
    initPath(va, vb);
    long int xl, yl;
    double xl, yl, dita, dl;
    do {
        --(va);
        xl=(double) (va);
        val=(double) (val);
        dita=va-(xl/vb);
        dita_min(dita);
        if (dita==0) {
            dita=-(double) (va+b)/((double) (va+1));
            if (dita>dita_min) {
                dita_min=dita;
                va_min=va;
                vb_min=vb;
            }
        }
    } while (dita!=0);
    printf("%d\n", dita);
}

```

ある日生物の授業でスゴイビデオを見ました。一度で表現するなら「海陸陸空“しばり”」のビデオです。カーテンで袖の切って暗くした教室の中でも、苦勞するのも惜しんで見入っていました。常軌を逸した出来事でしたが、皆いもの見たまといつか、ほたまた君を他の禁止する好奇心か、結局熱心に見ていたのでした。

「カーテンに深かづ、カイガの幼虫を解って部分的に成長を抑制してしまうのですから、実験室などの観て見るよりも映画で見るは



うが比例的にグロです。
P.S. 胃臓細分だけ読んで“勘違い”しなかった人はおられますか?



(社團類)